



iSeq 100



MiniSeq



MiSeq séria

Aplikácie a metódy

Hlavná aplikácia

Hlavná aplikácia

Hlavná aplikácia

Sekvenovanie celých genómov (ľudských, rastlinných, zvieracích)

Sekvenovanie malých genómov (mikrobiálne, vírusové)

Exómové sekvenovanie

Cielené sekvenovanie génov (amplikón, gén)

Profilovanie jednej bunky (scRNA-Seq, scDNA-Seq, oligo tagging assays)

Sekvenovanie transkriptómov (total RNA-Seq, mRNA-Seq, profilovanie génovej expresie)

Cielené profilovanie génovej expresie

miRNA & Small RNA analýza

Analýza interakcie DNA - proteín

Metylačné sekvenovanie

16S metagenomika

Metagenomické profilovanie (shotgun metagenomika, metatranskriptomika)

Sekvenovanie voľne cirkulujúcej NK a analýza tekutých biopsií

Čas sekvenovania

9,5 až 19 hodín

4 až 24 hodín

4 až 55 hodín

Maximálny výstup

1.2 GB

7.5 GB

15 GB

Maximálny počet čítaní

4 miliónov

25 miliónov

25 miliónov

Maximálna dĺžka čítania

2 x 150 bp

2 x 150 bp

2 x 300 bp

